

Approximate Nearest Neighbors

Wegen der Curse of Dimensionality und der unteren Schranke von $\Omega(n^{1-\epsilon})$ für orthog. Range Queries glauben viele, daß es keinen Sinn macht, Algos für NN in hohen Dimensionen zu suchen, die ^{signifikant} besser als $O(n)$ sind (und nur Platz $O(n)$ brauchen).

Was kann man tun? Mehr Platz spendieren: etwas unerschöpflich. Nicht exakten NN suchen (reicht für die allermeisten Appl.)

Dickson, Duncan, Zorobich: kd-trees are better when cut on the longest side, ESA 2000.
Duncan, Zorobich, Kobanov: Balanced aspect ratio trees ...
Arya, Mount, Netanyahu, Silberman, Wu: An optimal algo for approx nearest neighbor searching - ; 1998, S. 18-19

Def.:

Sei $S \subseteq \mathbb{R}^d$ eine Menge von Pkten, $q \in \mathbb{R}^d$ ein Query-Pkt, $p^* \in S$ der NN, und $\epsilon > 0$.

Dann heißt ein $p^\circ \in S$ " $(1+\epsilon)$ -^{approximate} nearest neighbor" \Leftrightarrow

$$d(p^\circ, q) \leq (1+\epsilon) \cdot d(p^*, q).$$

Bezeichnungen:

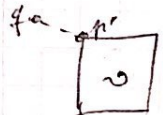
ob jetzt: v und $R(v)$ bzw. "Knoten" und "Region des Knoten"

sind Synonyme.

Annahme: metric space, d.h. $d(\cdot)$ ist Metrik, z.B.

$$d(p, q) := \|p - q\|$$

$$d(v, q) := d(R(v), q)$$



$p_v :=$ der in v liegende Pkt, falls v Blatt ist

(sonst hätten wir ja $P(v) =$ Menge der in v liegenden Pkte)

Dadurch, daß wir mit einem "unendlich weit entfernten" Blatt starten und bei rot, geht der Prozess zunächst direkt zu dem Blatt, das am dichtesten an q dran ist, oder wo q drin liegt. Von da aus geht er sukzessive zu immer weiter entfernt liegenden Blättern.



Algo:

Q = Priority-Queue mit Zeiger auf Knoten im k - d -Tree, sortiert nach $d(v, q) =$ Abstand zw. q und v ; (hier um \log_2)
 kleinster Abstand vorne

$p^0 :=$ Pkt unendl. weit weg (= aktueller Kandidat des k -NN)
 (Hinweis: es ist sehr wichtig, dass man hier mit einem "unendlichen" Pkt startet, sonst könnte es passieren, dass die while-Schleife erst gar nicht startet!)

while $d(v, q) < \frac{1}{1+\epsilon} d(p^0, q)$:
while $v \neq$ Blatt :
 v is inner node

seien v_1, v_2 die Kinder von v , und $d(v_1, q) \leq d(v_2, q)$
 füge v_2 in Q ein

and $v := v_1$

if $d(p_v, q) < d(p^0, q)$: { es ist jetzt Blatt }

then

$p^0 := p_v$

$v \leftarrow \text{extractMin}(Q)$

$v :=$ minimales Element aus Q , lösche dieses aus Q ;

end while

return p^0


(Das erstaunliche ist, dass der Algo das p^* gar nicht herauszuf! ist für $\epsilon=0$ genau der ursprüngl. Algo, nur eben in iterativer Form)

Zeit: $O(l \cdot \log n)$, $l = \#$ besuchter Blätter

Bew.:

1. Korrektheit: Sei u^* Blatt aus k - d -Tree, das p^* enthält

a) u^* wurde besucht \Rightarrow Algo liefert $p_{\leftarrow}^* = p^0$

b) u^* wurde nicht besucht $\Rightarrow p^0 \neq p^* \Rightarrow$ 

$$d(p^*, q) \geq d(u^*, q) \geq d(\bar{u}, q) \geq \frac{1}{1+\epsilon} d(p^0, q)$$


weil $d()$ Metrik nähere Knoten werden zuerst besucht Abnehmtheit.

wobei \bar{u} der zuletzt besuchte Knoten sei. (Blatt oder innerer Knoten)

2. Zeit:

Pro Schleifendurchlauf: k Knoten extrahieren, $O(\log n)$ Knoten einfügen;
 Binomial heap: $O(\log n)$ für extract & insert $\rightarrow O(l \cdot \log^2 n)$
 Fibonacci-heap verwenden $\Rightarrow O(\log n)$ für extract, $O(1)$ amatierte Knoten für einfügen; $d(v, q)$ braucht $O(1) \Rightarrow$ Sch.
 immer loop

Bem.:

- In der Praxis bleibt Heap relativ klein \rightarrow verwende normalen Heap.
- ~~$d(v, q)$ braucht nur $O(d)$, weil man Distanz inkrementell aus Dist. zum Vater berechnen kann.~~
- Analog geht "(1- ϵ)-farthest neighbor". 
- Gibt PD-Software "AVL Library", die ^{gibt inzwischen bessere S. Fellen} verwendet aber eine wesentlich komplexere Datenstruktur, weil damals noch nicht bekannt war, daß auch die alten "longest-side kd-trees" diese schöne worst-case-Laufzeit haben.
- # besuchter Blätter $k \in O(\log^{d-1} n)$ [ESA 2000];
sieht man, indem man Schranke für Anzahl der Knoten des kd-Tree findet, die einen Strahlus "durchstechen".
Genauer: $O\left(\left(\frac{\log n}{\epsilon}\right)^{d-1}\right)$
gilt nur für "longest-side" kd-Tree!

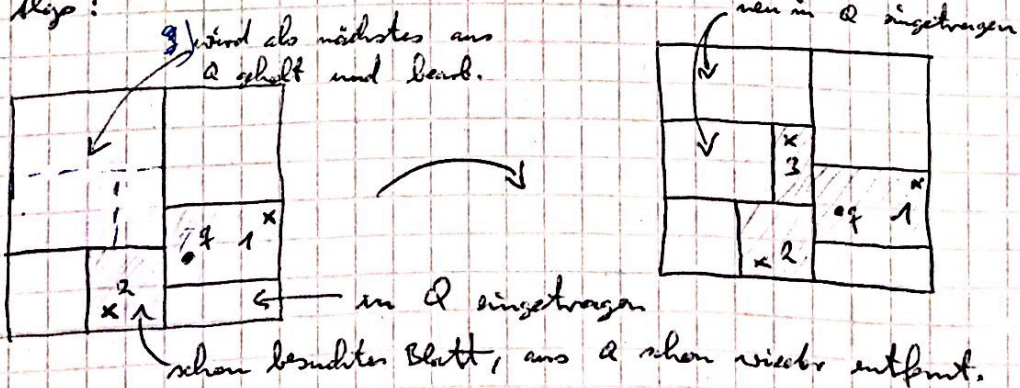


Satz:

Zu einer Menge $S \subseteq \mathbb{R}^d$, $|S|=n$, und einem Query-Pkt $q \in \mathbb{R}^d$ findet man den $(1+\epsilon)$ -nearest neighbor in Zeit $O\left(\frac{\log^d n}{\epsilon^{d-1}}\right)$.

Bsp zum Algorithmus:

kd-Tree, soweit er in der Queue eingetragen ist/war:



"Beste" ANN-Algos

Achtung: "beste" hängt von vielen Faktoren ab!

- Metrik oder nicht-metrischer Abstand
- Verteilung der Klte (hohe Korrelation oder uniform)
- Dimension

Folgende zwei Algos funktionieren in praxi sehr gut für viele Daten

Alternatives Abbruchkriterium: besuche $\max L_{\max}$ viele Blätter.

Alternatives Güte-Maß des ANN-Algo:

$$\text{precision} = \frac{\# \text{ exakter NN's}}{\# \text{ Queries}}$$

$$\text{error} = 1 - \text{precision} \quad (\text{richtl. "error"})$$

Randomized kd-Tree (RKD):

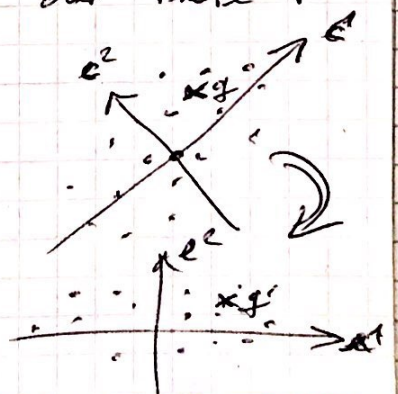
- Bestimme D Achsen (dimensions) mit höchster Varianz der Klte
- Wähle eine davon zufällig
- Splitte entlang Median dieser Achse

Experimente zeigen: $D=5$ reicht

Mija & Lowe: Fast Approximate Nearest Neighbors with Automatic Algo Configuration; 2005.
Silpa-Anan & Hartley: Optimized KD-trees for fast image descriptor matching; 2008.

PCA-RKD:

- Bestimme Principal Components der Klte P
- Transformiere Klte $\rightarrow P'$
- Baue RKD über P'
- Transformiere Query-Klte $q \rightarrow q'$
- Weiter mit bisherigem ANN-Algo



RKD-Forest (auch mit PCA): Analog Rand. Forest
Bare mehrere (20-50) RKD-Trees über P (bzw P')

ANN-Search mittels RKD-Forest:

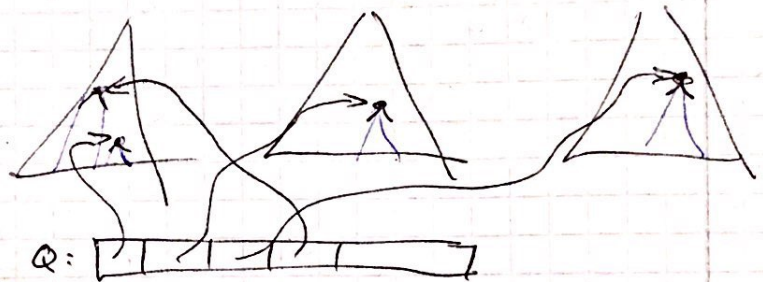
Maintain 1 p -queue only (one for all)

Descend each RKD-tree down to leaf closest to q
(first iteration of outer while loop of ANN algo)

Choose closest p of all those leaves
put others in p -queue

Proceed with ANN-algo as before

Queue contains pointers to nodes in different trees!



Warum funktioniert das besser?

Bsp.: 1 Mio Pkte $\approx 2^{20} \Rightarrow$ Tiefe des kd-Trees = 20

Dimension = 100 \Rightarrow ^{normaler} ANN schaut 80 Einträge
von q gar nicht an!

$\Rightarrow q$ und p^o in Blatt sind ^{close} nahe zueinander
in 20 Dim., aber in den 80 anderen
nicht notwendigerweise

Hier hilft die Randomisierung und Ensemble
andere Betrachtung:

- Beim klassischen ANN-Algo hängen die
nacheinander (aus der P -Queue kommenden)
besuchten Zellen stark voneinander ab

- Bei obigem Algo liegen die Zellen aus der
 P -Queue in verschiedener, randomisierter
kd-Trees \Rightarrow weniger Abhängigkeit dazwischen!

k-Means-Tree :

1. Partitioniere P mittels k-means-Clustering in k Cluster
2. Erzeuge für jeden Cluster einen k-Means-Tree
3. Erzeuge Knoten mit k Kindern

ANN-Search mittels k-Means-Tree :

Traversiere Baum bis zum nächsten Blatt
Schreibe nicht-besuchte Kinder in P -Queue
Sortiere P -Queue bzgl. $\text{dist}(q, \text{cluster-center})$
Stoppe nach L_{\max} besuchten Blättern

Bem.:

- k-means-Clustering benötigt auch NN
(allerdings immer nur zu den k Mittelpunkten der Cluster)
- Randomisierung und Forest haben ^{hier} nichts gebracht (lt. Autoren)
- Aufbau ist vel. teuer \rightarrow führe nur wenige Iterationen in k-means-Clustering durch, nicht bis Konvergenz laufen lassen.
ANN wird kaum beeinträchtigt

Eventl. noch
kNN auf
W. G.PU ?

Folien mit
"results" zeigen

Anwendungsbsp. 2: Textursynthese

("texture synthesis", "image inpainting")

[Wei & Levoy: Fast Texture Synth. SIGGRAPH 2000]

~~Aufgaben:~~ Texture Image I

Gesucht: größere Textur T, die genauso aussieht

Beob.:

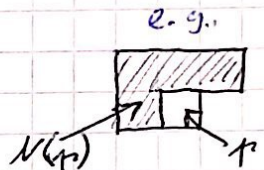
1. ~~Wenn man~~ Der ~~auschnitt~~ ^{in einem "moving window"} ~~mit ein~~ nicht immer gleich auss.

(muß hinreichend groß sein)

2. Jedes Pixel hängt nur von einer gewissen lokalen Nachbarschaft ab

(Beides ist für "normale" Bilder nicht erfüllt.)

Bezeichnung: p_i = ^{input} Pixel aus I, p_o = ^{output} Pixel aus T,
 $N(p_i)$ = Nachbarschaft von p_i
 (p_i is not member of $N(p_i)$!)



Algo:

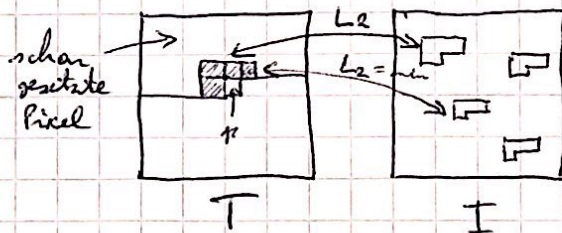
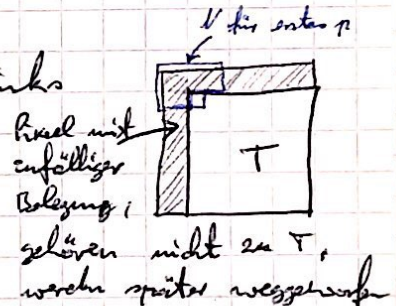
init T := schwarz plus Zufallsrand oben u. links

for all $p_o \in T$ in scan order:

(*) suche dasjenige $p_i \in I$, mit

$$\|N(p_o) - N(p_i)\| = \min$$

setze $p_o := p_i$



Schritt (*) ist

eine Nearest-Neighbor-Suche!

$N(p)$ sind d -dim. Bkte, ^{$d = \# \text{pixels in } N(p)$} Distanz ist eine Metrik

→ verwende k - d -Trees.

händer:

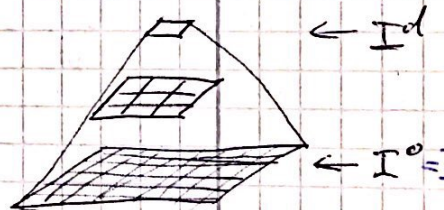
- Betrachte von I zu I nur die inneren $N(p)$. (nicht voraus, dass I groß genug ist, so dass Randpixel so ähnlich nochmal in Innen vorkommen)
- Wrap-around für rechten Rand in ∇ (braucht man nicht für linken Rand).

Bem.:

- Alle Pixel hängen deterministisch von den zufälligen Pixeln am linken u. oberen Rand ab (und I).
- (*) • Die Qualität hängt von der Größe von $N(p)$ ab (s.u.);
- die Form von $N(p)$ ist beliebig, muß nur "kausal" sein.
- Andere "Scans" sind möglich u. sinnvoll, z.B. spiralförmig, um ein Loch zu "stopfen"

(*) Log. für das Problem der "richtigen" Größe der Nachbarschaft:

Image-Pyramide - unterster Level = orig. Bild; jedes nächsthöhere Level ^{entsteht} ~~gibt~~ aus dem darunter durch Filterung (z.B. Gauss-Filter) und Subsampling.



Dies:

baue Pyramide I^0, I^1, \dots, I^d aus I ; (bottom-up)

for T build pyramid top-down

erzeuge T^l aus $I^l, I^{l+1}, I^{l+2}, \dots, I^{l+k}$ wie oben;

Nachbarschaft $N(p)$ für $p \in T^l$ erstreckt sich über T^l, \dots, T^{l+k} ; for each level l , build kd-tree

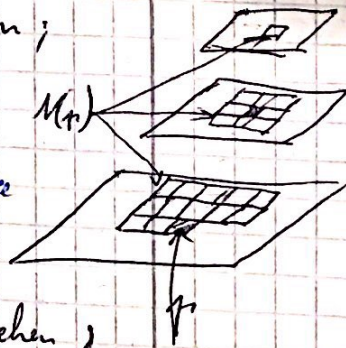
~~baue für jedes Level I^l einen kd-tree mit~~ Punkten, die aus der erweiterten Nachbarschaft entstehen;

~~d.h. aus I^l, \dots, I^{l+k}~~

baue für jedes Level l einen kd-tree mit

Punkten $N(p_i) \subseteq I^l \cup \dots \cup I^{l+k}$.

\uparrow dass selbige hinschreiben, denn man müßte sich definieren, was \cup hier bedeutet



Beschleunigung durch "Jump Maps":

[Zelinka & Galambos:
Towards Real-Time
Texture Synth ...
EG WS in Rendering
2002]

Idee: Nearest-Neighbor-Suche als Preprocessing

Im Input-Bild (Analyse):

Für jedes Pixel $P_i \in I_i$ im Input-Bild bestimme

k Nearest-Neighbors P_{ij} und ihre Wahrscheinlichkeit $w_{ij} = f\left(\frac{1}{d_{ij}}\right)$

basiert auf Dist $d_{ij} = d(P_i, P_{ij}) \rightarrow$ Jump Maps

(große Dist \approx kleiner Wert)

Synthese + Algo:

Output-Pixel $P_0 \in I_o$ in Scanline-Order (z.B.) durchgehen:

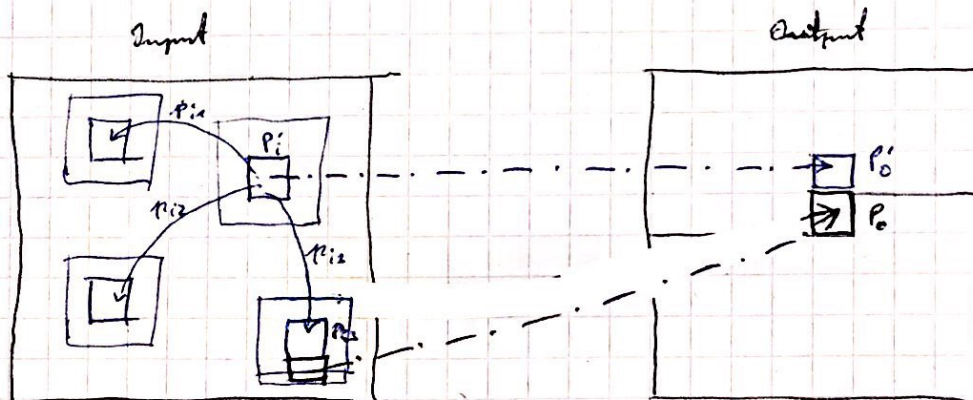
wähle zufällig Pixel $P'_0 \in N(P_0)$ das schon bearb. ist

sei $P'_i \in I_i$ Pixel aus Inputbild, aus dem P'_0 ber. wurde

wähle zufällig, gemäß w_{ij} , ein $N^{P'_{ij} \in I_i}$ von P'_i aus Jump Map

setze $P_0 :=$ korrespondierendes analoges Pixel aus $N(P'_{ij})$

speichere dieses Herkunftspixel an P_0



Analog mit Image-Pyramide:

Issues:

1. Diversifizierung der k Nearest-Neighbors sicherstellen,
d.h., die NNs sollten hinreichend weit auseinanderliegen
2. Vermeidung von Ränderbildung:
erniedrige ^{w. Wert der} Δ Jumps, die in die Nähe des Randes
des Input-Bildes springen
3. Synth.-Reihenfolge:
besser bidirektionale Scanline-Ordnung;
noch besser: entlang Hilbert-Kurve
(dann kann man mit ca. gleicher w. Wert
Nachbarnpixel aus allen 4 Richtungen wählen)

Resultat: ca. 800,000 Pixel/sec \approx
256x256-Bild in 0.1 Sek (Pentium 3, 1GHz)

Anwendungsbsp 1: Shape-Matching

Aufgabe: Suchen in Bilddatenbanken durch Bsp.,
Medizindatenbanken (Röntgenaufnahmen), Internet,
Schrifterkennung.

Shape = 2D-Kurve, 3D-Oberfläche (z.B. aus Kantendetektor,
Segmentierung, Polygone, ...)

Idee allg.:

1. Definiere Transf. Shape \rightarrow "feature vector" ($\in \mathbb{R}^d$ i.H.)
sollte invariant sein unter Rot. + Transl.,
evtl. auch unter Skalierung + Spiegelung
Tessellierung
Deskriptor ist meist
Sätze $\in \mathbb{R}^n$, manchmal
auch Graph u.ä.
2. Definiere "dissimilarity measure" auf den
Feature-Vektoren, so daß
 $d(f_1, f_2)$ groß \Rightarrow s_1 und s_2 sehen sehr
verschieden aus.
3. Baue zur Shape-Datenbank einen k -d-Tree auf
(genauer: zu den Feature-Vektoren)
4. Suche best match zu Vorlage durch k-Nearest-Neighbor-Suche
(evtl. $k=1$)

Shape distribution:

Wähle "shape function":

$$f(p_1, \dots, p_k) \rightarrow \mathbb{R}$$

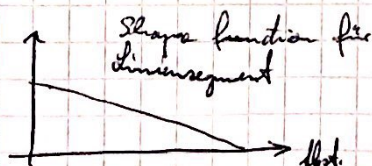
z.B.: Abstand der Pkte, Flächeninhalt des Projekts dieser Pkte, ...
geschätzte lokale Krümmung

Sample Oberfläche (= Rand) der Shape zufällig & uniform

mit k Pkten \rightarrow "shape distribution" (= feature vector)

Speichere als Histogramm.

Bsp. für $f(p_1, p_2) = |p_1 - p_2|$



Bsp.:
Histogramm
für Kreis

Surflet-Pair Histogramms:

Betrachte wieder alle ^{Vertex-} Paare p_1, p_2 des Input-Meshes (oder Samples).

Seien n_1, n_2 die Normalen in p_1, p_2 .

Setze $\bar{p} := \text{normalize}(p_2 - p_1)$

Wg Robustheit soll

$$|n_1 \cdot \bar{p}| \leq |n_2 \cdot \bar{p}|$$

sein, [also $\angle(n_1, \bar{p})$ "senkrechter"

als $\angle(n_2, \bar{p})$]. Sonst

p_1, p_2 vertauschen.

Konstruiere lokales Koord. system

in p_1 :

$$u := n_1$$

$$v := \text{normalize}(\bar{p} \times u)$$

$$w := u \times v$$

Beschreibe p_2 relativ zu p_1 :

$$\alpha = \arctan 2(w \cdot n_2, u \cdot n_2)$$

$$\beta = \arccos(v \cdot n_2) = \angle(v, n_2)$$

$$\gamma = \arctan 2(u \cdot \bar{p}, v \cdot \bar{p})$$

$$\delta = \arccos(w \cdot \bar{p})$$

$$\epsilon = \|\bar{p}\|$$

Quantifiziere α, \dots, ϵ in z.B. $5^5 = 3125$ Bins

Damit $f_i(p_1, p_2) \rightarrow [0, 4]^5 \in \mathbb{N}^5 = \text{"feature vector"}$

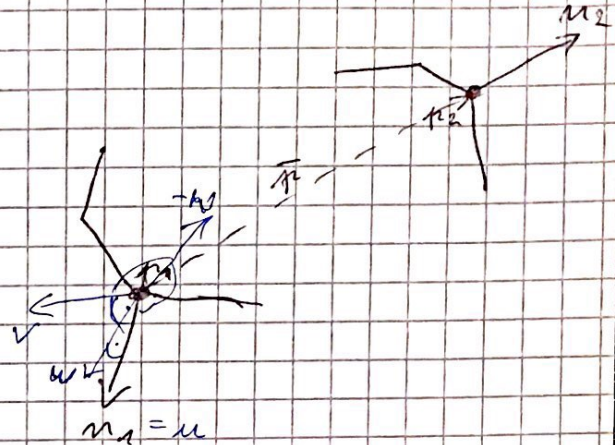
Für geg. Geometrie, betrachte alle Paare (p_i, p_j) ,

bilde Histogramm aller Feature-Vektoren \rightarrow Shape Histogram

Für DB von Shapes: ^{berechne} Same Shape-Histograms (preprocessing)

Note: invariant unter Rot. + Transl.!

Wall, Lichtenbrand, Hirzinger: "Surflet-Pair-Relation as Histogram: A Statistical 3D-Shape Representation for Rapid Classification", 2003



Zuerst Query-Times suche W zu einem gegebenen Histogramm h_Q .

Abstandsmaße: ("Histogram Similarity")

1. euklidische Distanz

2. χ^2 -Test

3. Likelihood: $L(O, Q) = \sum_{\pi_1, \pi_2 \in Q} \log h_O(\text{bin}(\pi_1, \pi_2))$

wobei h_O = Histogramm eines Obj. es aus der DB

4. Kullback-Leibler-Divergenz:

$$K = \sum_{i \in \text{all bins}} h_Q(i) \cdot \ln \frac{h_Q(i)}{h_O(i)}$$

(asymmetrisches Maß für Unterschied zweier Verteilungen)

Ignoriere (oder bestrafe) Terme, wo $h_Q(i) \neq 0 = h_O(i)$.

Terme mit $h_Q(i) = 0$ sind OK, da $\lim_{x \rightarrow 0} x \ln(x) = 0$.

Eigenschaften: $K \geq 0$, $K = 0 \Leftrightarrow h_Q = h_O$.

K und L scheinen am besten zu funktionieren

(im Paper 99% recognition rate, waren aber nur 20 Obj.e)

Achtung: K ist keine Metrik!

(asymmetrisch, und Dreiecksungleichung gilt nicht!)

Eigenschaften: $K \geq 0$,

$$K = 0 \Leftrightarrow h_Q = h_P$$

Für Iterative Closest Points (ICP):

Exkurs: Alignment / Registration of Shapes

! Vorher Exkurs zu Quaternionen
in Folien.pptx!

[Eggert et al.:
Estimating 3D Rigid
Body Transformations,
A Comparison - 1997]

Gegeben: zwei Pkt-Mengen

$$A = \{a_i\}, \quad B = \{b_i\} \subseteq \mathbb{R}^3.$$

[Horn: Closest-form
solution of absolute
orientation using
unit quaternions]

Annahme: zwischen A, B besteht

eine (perfekte) Korrespondenz der Form

$$a_i = R b_i + t, \quad ,$$

wobei R = Rotationsmatrix, t = Translat. vektor

gesucht: R, t

[Bemerkung: weil die Korrespondenzen später
nicht perfekt sein werden, wollen wir hier
nicht den naive / straight-forward Ansatz
wählen, bei dem man sich einfach die ersten
3 Pkte jeweils nimmt, je ein ^{lokales} \perp -Koord. system für
 A bzw. B daraus baut, und diese dann
ineinander überführt.]

Definiere den least squares - Fehler

$$E^2 = \sum_{i=1}^n (R b_i + t - a_i)^2$$

Setze $\bar{a} = \frac{1}{n} \sum a_i$, $\bar{b} = \frac{1}{n} \sum b_i$ (Schwerpunkte)

Schreibe $a_i =: a'_i + \bar{a}$, $b_i =: b'_i + \bar{b}$

$$\text{Damit: } E^2 = \sum_i (R(b_i' + \bar{b}) + x - a_i' - \bar{a})^2$$

$$= \sum_i (Rb_i' - a_i' + R\bar{b} + x - \bar{a})^2$$

Wenn wir das optimale R kennen, dann gilt für das opt. x :

$$R\bar{b} + x - a = 0 \Leftrightarrow x = \bar{a} - R\bar{b}$$

Also definiere jetzt $E'^2 = \sum_i (Rb_i' - a_i')^2$

Zur Vereinfachung: löse Striche bei a_i, b_i ab jetzt weg.

Also $E^2 = \sum_i (Rb_i - a_i)^2$

$$= \sum_i (Rb_i)^2 - 2(Rb_i)a_i + a_i^2$$

$$= \sum_i b_i^T \underbrace{R^T \cdot R}_{=I} b_i + a_i^2 - 2a_i^T R b_i$$

$$= \sum_i b_i^2 + a_i^2 - 2a_i^T R b_i \stackrel{!}{=} \min$$

$$E^2 \text{ wird minimal} \Leftrightarrow E'^2 = \sum_i a_i^T R b_i = \max$$

\uparrow 5×3 -Matrix

Nebenrechnung (Magie) mittels Quaternionen:

$$a^T R b = (0, a) \cdot \underbrace{q \circ (0, b)}_{\text{Skalarprod!}} \circ \underbrace{q^*}_{\text{Anat. mult!}}$$

wobei q das Quaternion ist, das die Rotation R bewirkt

$$= (q \circ (0, b) \circ q^*)^T (0, a)$$

$$= (Q^* (q \circ (0, b)))^T (0, a)$$

$$= (q \circ (0, b))^T \underbrace{Q^{*T}}_{=Q} (0, a)$$

$$= (q \circ (0, b))^T \cdot (0, a) \circ q$$

$$= (Bq)^T \cdot (Aq)$$

$$= q^T B^T A q$$

wobei Q^* die Matrix ist, die die Anat. mult. mit q^* bewirkt (s. Folien ppt)

wobei A, B die Matrizen sind, die die Quaternionen mult. mit $(0, a)$ bzw. $(0, b)$ bewirkt

stl
er-
ringen
V

↳ Schreibe damit

$$E^{(2)} = \sum_i a_i^T R b_i = \sum_i q^T B_i^T A_i q$$

← repr. a_i in \mathcal{Q}

$$= q^T \left(\sum_i B_i^T A_i \right) q \stackrel{!}{=} \max$$

↳ Anotation, das Rotation R repr.

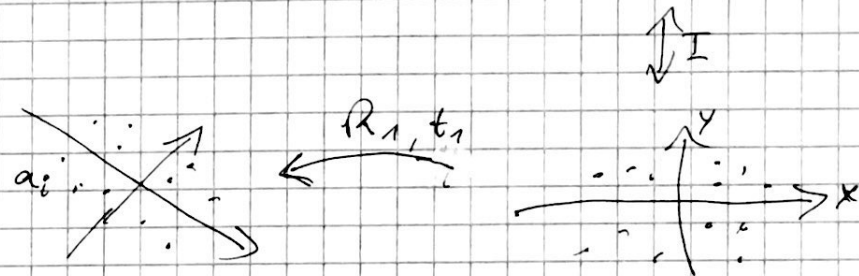
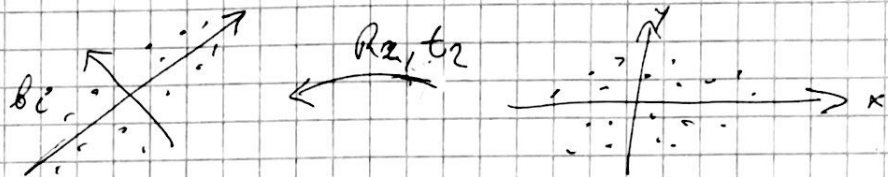
$M = 4 \times 4$ -Matrix = Kovarianz-Matrix (*)

Das Anotation, das $E^{(2)}$ max werden läßt, ist der größte Eigenvektor von M
 → transformiere diesen in Rot. matrix R → fertig

Oder: berechne PCA zu $\{a_i\} \rightarrow R_1$

„ „ „ $\{b_i\} \rightarrow R_2$

Rotation R von $\{b_i\}$ nach $\{a_i\}$ ist $R_1^{-1} \cdot R_2^{-1}$



$$a_i = R^T \cdot R_2^{-1} (b_i - t_2) + t_1$$

*) Matrix enthält Terme der Form:

- $\sum_i a_x^i b_x^i + \sum_i a_y^i b_y^i + \sum_i a_z^i b_z^i$ auf der Diagonale

- $\sum_i a_z^i b_y^i - a_y^i b_z^i$ auf off-Diagonal-Elementen